

Análise comparativa entre *Conopophaga lineata* e *Gallus gallus*

Oliveira, T.D.¹; Kretschmer, R.²; Bertocchi, N.A.¹; Garnero, A. del V.¹;
Oliveira, E.H.C.³; Gunski R.J.¹

Abstract/Resumo

A ordem Passeriformes, subdividida em duas subordens Oscines e Suboscines, é a mais diversa e com o maior número de espécies de aves. Além disso, é a ordem com maior número de espécies analisadas por citogenética clássica. Quanto à citogenética molecular, existe até o momento 16 espécies analisadas, e apenas uma, *Elaenia spectabilis*, pertencente à subordem Suboscines. A espécie *Conopophaga lineata*, popularmente conhecida como chupa-dente, pertence à família Conopophagidae (Passeriformes, Suboscines) é encontrada na Mata Atlântica, no Brasil se distribui do Ceará ao Rio Grande do Sul. O objetivo foi construir mapa cromossômico comparativo desta espécie e *Gallus gallus* (GGA) para identificar homologias existentes. As metáfases foram obtidas através da cultura de fibroblastos de dois exemplares de *C. lineata* coletados em Porto Vera Cruz e São Gabriel no estado do Rio Grande do Sul. Para as Hibridizações *in situ* Fluorescente foram utilizadas sondas de cromossomos específicos de GGA (GGA1 a GGA10). As sondas de GGA evidenciaram a conservação sintênica da maioria dos macrocromossomos ancestrais em *C. lineata*, exceto para GGA1 e GGA2. No caso de GGA1 e GGA2, encontram-se fissionados em dois pares cada em *C. lineata*. A fissão do cromossomo 1 ancestral era esperada, pois foi encontrada em todas as espécies de Passeriformes estudadas até o momento, entretanto, não era esperado a fissão do cromossomo 2 ancestral em Passeriformes. A fim de investigar outros aspectos da organização cromossômica de *C. lineata*, identificamos a localização de genes ribossomais 18S rDNA marcando um par de microcromossomo. Com isso, podemos concluir que a caracterização dos cromossomos de *C. lineata* foi importante para compreender melhor a organização e evolução cromossômica da família Conopophagidae e da subordem Suboscines. Contudo, se fazem necessárias a utilização de outras ferramentas moleculares para a completa caracterização e compreensão da evolução cromossômica desta espécie.

Keyword/Palavras-chave: Hibridização *in situ* Fluorescente; Passeriformes; Aves

1 Programa de Pós-graduação em Ciências Biológicas, UNIPAMPA, São Gabriel-RS, thaysbiotec@gmail.com

2 Programa de Pós-graduação em Genética e Biologia Molecular, UFRGS, Porto Alegre-RS.

3 Instituto de Ciências Exatas e Naturais, Universidade Federal do Pará, Belém-PA e Laboratório de Cultura de Tecidos e Citogenética, SAMAM, Instituto Evandro Chagas, Ananindeua-PA.