

Análise Citogenética em *Pecari tajacu* (Linnaeus, 1758) e *Tayassu pecari* (Link, 1795) (Cetartiodactyla: Tayassuidae): Ênfase para distribuição dos sítios de DNAr 35S

Oliveira, P.L.¹; Barros, H.M.D.R.³; Costa, T.S.O.²; Borges, R.M.²; Santos, D.C.²; Nogueira, S.S.C.²; Bortoleti, K.C.A.¹

Abstract/Resumo

A família Tayassuidae é composta pelas espécies *Pecari tajacu*, *Tayassu pecari* e *Catagonus wagneri*, apresentando distribuição no continente Americano. Conhecidas, respectivamente, como cateto e queixada, *Pecari tajacu* e *T. pecari* são onívoros e indicadores ambientais, encontrando-se em declínio populacional devido à perda de habitat, fragmentação e caça. Com o intuito de identificar marcadores cromossômicos que contribuam para o entendimento dos mecanismos de diferenciação cariotípica desses táxons, este trabalho realizou uma análise citogenética comparativa em *P. tajacu* e *T. pecari*, mediante às técnicas de impregnação com nitrato de prata (AgNO₃) e Hibridização *in situ* Fluorescente (FISH). Amostras de sangue foram coletadas de sete (quatro fêmeas e três machos) e cinco indivíduos (quatro fêmeas e um macho) de queixada e cateto, respectivamente, provenientes de populações cativas na Universidade Estadual de Santa Cruz (UESC), Ilhéus/BA. Análises cromossômicas foram realizadas a partir da cultura de linfócitos do sangue, sendo as lâminas posteriormente impregnadas com AgNO₃ ou submetidas a FISH com sonda de DNAr 35S (pTa 71), marcada com digoxigenina-11-dUTP. *Pecari tajacu* e *T. pecari* apresentaram números diploides $2n=30$ e $2n=26$, XX ou XY, respectivamente, classificando-se os cromossomos morfologicamente em dois grupos (meta/submetacêntrico e acrocêntrico), com a predominância de submetacêntricos em ambas espécies, similarmente ao descrito na literatura. A FISH revelou a presença de sítios de DNAr 35S em, ao menos, cinco pares autossômicos de *P. tajacu*: marcação proximal no braço curto do par submetacêntrico 2; marcação centromérica no par submetacêntrico 6; marcações nos braços curtos dos pares acrocêntricos 8 e 12, e do par submetacêntrico 11. Por sua vez, quatro marcações foram visualizadas em *T. pecari*, as quais mostraram-se ativas por AgNO₃, identificadas na região intersticial do braço longo do par submetacêntrico 4 e no braço curto do par metacêntrico 8, adjacente ao centromêro, similar a estudos anteriores. Este trabalho relata a primeira descrição de sítios de DNAr para *P. tajacu*, cujo número elevado de marcações pode estar relacionado à maior ocorrência de rearranjos cromossômicos (inversões, fusões e fissões) durante a evolução cariotípica e diversificação desta espécie, em comparação a *T. pecari*, conforme sugerido por estudos filogenéticos com marcadores morfológicos e moleculares.

Keyword/Palavras-chave: Cateto; Queixada; DNA ribossomal

1 Colegiado de Ciências Biológicas / Universidade Federal do Vale do São Francisco, Petrolina-Pernambuco, palloma.lima@gmail.com

2 Universidade Estadual de Santa Cruz, Ilhéus-Bahia.

3 Universidade Federal de Pernambuco, Recife-Pernambuco