

Como os dados citogenéticos podem ajudar no entendimento da diversidade críptica em *Hypsiboas crepitans* (Anura, Hylidae)

Carvalho, M.A.^{1,2}; Figueredo, M.S.²; Rodrigues, M.T.³; Viana, P.F.³;
Garcia, C.²; Feldberg, E.¹

Abstract/Resumo

Pertencente à família Hylidae e subfamília Cophomantinae, *Hypsiboas crepitans* é uma espécie de anuro considerada de ampla distribuição, embora esta seja restrita a duas grandes áreas desconectadas localizadas no norte da América do Sul e na parte nordeste e sudeste do Brasil, ocupando áreas de Floresta Amazônica, Mata Atlântica, Caatinga e formações de Cerrado. Dados biológicos de diferentes naturezas indicam a presença de diversidade críptica para o grupo e afim de acessar esta diversidade utilizamos marcadores citogenéticos clássicos na caracterização de populações de *H. crepitans* provenientes dos municípios de Jequié-BA, Maracás-BA, Itapetinga-BA, distrito de Florestal-BA, São Roque do Canaã-ES e Caracaraí-RR. Todos os indivíduos analisados apresentaram $2n=24$ e $NF=48$, que são números característicos tanto para o gênero *Hypsiboas* quanto para família Hylidae, sem diferenças entre os sexos. Foram observadas diferenças na composição cariotípica de cada população, embora os pares cromossômicos 1, 2, 9, 11 e 12 apresentem morfologia conservada. As RONS mostraram-se simples e localizadas intersticialmente nos braços longos dos pares 7 (Jequié), 8 (Caracaraí), 10 (São Roque do Canaã), e 11 (Florestal, Maracás e Itapetinga). A localização e número de blocos de heterocromatina permitiram identificar marcadores cromossômicos que separam as populações da Bahia e Espírito Santo da população amazônica, sugerindo maior proximidade evolutiva entre as populações do nordeste e sudeste brasileiro. Tais diferenças na macro e microestrutura cromossômica são possivelmente frutos de rearranjos, principalmente inversões pericêntricas, e indicam a presença de formas genéticas distintas dentro do que se considera uma unidade evolutiva, reforçando a proposta da existência de um complexo de espécies para o grupo.

Apoio: Estudos citogenéticos e citogenômicos da biodiversidade da Amazônia, com implementação de avanços técnicos. (AUXPE – Pró Amazônia, CAPES 3297/2013/Processo nº 23038.009446/2013-09)

Keyword/Palavras-chave: Complexo de espécies; Evolução cariotípica; Rearranjos cromossômicos

1 PPG Genética, Conservação e Biologia Evolutiva, Instituto Nacional de Pesquisas da Amazônia (INPA), Manaus-AM, peuamorim@gmail.com

2 Universidade Estadual do Sudoeste da Bahia (UESB), Jequié-BA

3 Universidade de São Paulo (USP), São Paulo-SP