

## O número cromossômico em *Simaba* Aubl. e seu significado dentro da família Simaroubaceae

Cruz, M.V.R.<sup>1</sup>; Devecchi, M.F.<sup>1</sup>; Pirani, J.R.<sup>1</sup>; Forni-Martins, E.R.<sup>2</sup>

### Abstract/Resumo

*Simaba* Aubl. é o maior gênero da família Simaroubaceae e possui cerca de 25 espécies distribuídas principalmente na América do Sul. As espécies de *Simaba* são ecológica e morfológicamente diversas e a maioria ocorre no Brasil, sendo várias delas endêmicas. Tem sido registrada a presença destas espécies nos mais diversos ambientes, desde o domínio da Amazônia, Cerrado, Mata Atlântica até a Caatinga. Existem duas classificações infragenéricas contrastantes, mas estudos filogenéticos e morfológicos sugerem uma reavaliação das seções. A citogenética e em particular o número cromossômico são ferramentas de grande utilidade na determinação da evolução de um grupo. Em Simaroubaceae poucos são os estudos cromossômicos e *Simaba*, particularmente, carece deles. Até o momento para a família os registros indicam números básicos de  $x = 8-16$ . Deste modo, o presente trabalho objetivou averiguar o número cromossômico das seguintes espécies endêmicas do Brasil: *S. arenaria* Devecchi & Pirani (sem sect. definida), *S. floribunda* A.St.-Hil. e *S. bahiensis* Moric. (ambas, *S. sect. Floribundae* Engl.) e o padrão de bandamento CMA/DAPI (regiões ricas em CG e AT, respectivamente) nas duas últimas. Os dados cromossômicos foram obtidos por meio de análise de células mitóticas de raiz secundária. Após o bandamento, as lâminas foram envelhecidas por 5-7 dias em estufa a 37°C para o registro das imagens. As três espécies analisadas apresentaram  $2n = 32$ . Em relação ao padrão de bandas CMA/DAPI, *S. bahiensis* e *S. floribunda* apresentaram quatro bandas CMA<sup>+</sup>/DAPI em posição terminal. De acordo com os dados presentes na família, *Simaba* poderia apresentar o número básico  $x = 8$  ou  $x = 16$ . Em Simaroubaceae, igual número cromossômico ( $2n = 32$ ) tem sido observado em *Simarouba glauca* ( $x = 8$ ) e *Leitneria floridana* ( $x = 16$ ). *Simaba* e *Leitneria* se encontram em clados distantes e o posicionamento da última dentro da família é recente e ainda muito controverso. A análise de um maior número de espécies e também da obtenção de dados adicionais, como tamanho do genoma, poderá contribuir para uma melhor circunscrição do gênero e da família como um todo.

Keyword/Palavras-chave: Sapindales; Eudicotiledôneas; Endêmicas; Bandamento CMA/DAPI

1 Universidade de São Paulo (USP), São Paulo-SP, [romero.mariav@gmail.com](mailto:romero.mariav@gmail.com)

2 Universidade Estadual de Campinas (UNICAMP), Campinas, SP